时空三极环境大数据平台

**日喀则藏族Y染色体SNP分型数据（2016-2019）**

英文标题：Y chromosome SNP and STR data of Tibetans from Shigatse (2016-2019)

1、摘要

为研究日喀则藏族人群的父系遗传结构，我们采集了434个日喀则藏族个体。首先，通过SNP分型的方法，确定了每个样本的单倍群归属。其次，采用ABI 3130XL，用荧光标记引物对8个STR位点进行检测，以进一步研究该人群的Y染色体遗传多样性。结果表明，日喀则藏族人群中的O-M175频率最高（47.00%，其中O2-M122最多（41.47%）），其次是D-M174（40.78%，以D-P47（20.97%）和D-N1（16.82%）为主）。此外，还有C-M217（1.84%），R1a1- M17（1.61%），N1-LLY22G（5.76%），Q-M242（0.69%），以及E、J、K-M、T等。本数据及和去年发布的拉萨藏族Y染色体数据相整合，能够实现不同藏族人群的遗传结构的比较，进而通过系统发育以及溯祖分析，能够揭示不同藏族人群的群体历史。

2、关键词

主题关键词：草地  
学科关键词：陆地表层  
地点关键词：藏族, Y染色体, 单核苷酸多态性, 单核苷酸多态性, 日喀则  
时间关键词：2016-2019

3、数据细节

1.比例尺：None

2.投影：

3.文件大小：0.06MB

4.数据格式：None

4、空间范围

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| - | 北：29.59 | - |
| 西：88.35 | - | 东：89.38 |
| - | 南：28.99 | - |

5、时间范围2016-05-04 16:00:00+00:00--2019-08-02 03:59:59+00:00

6、引用方式

数据的引用:

孔庆鹏, 祁学斌. 日喀则藏族Y染色体SNP分型数据（2016-2019）. 时空三极环境大数据平台, DOI:10.1093/molbev/mst093, CSTR:, 2020.[KONG Qingpeng, QI Xuebin. Y chromosome SNP and STR data of Tibetans from Shigatse (2016-2019). A Big Earth Data Platform for Three Poles, DOI:10.1093/molbev/mst093, CSTR:, 2020]

文章的引用:

Qi, X.B., Cui, C.Y., Peng, Y., Zhang, X.M., Yang, Z.H., Zhong, H., Zhang, H., Xiang, K., Cao, X.Y., Wang, Y., et al. (2013). Genetic Evidence of Paleolithic Colonization and Neolithic Expansion of Modern Humans on the Tibetan Plateau, Molecular Biology and Evolution, Volume 30, Issue 8, August 2013, Pages 1761–1778, https://doi.org/10.1093/molbev/mst093.

7、资助项目信息

泛第三极环境变化与绿色丝绸之路建设专项

8、数据资源提供者

姓名: 孔庆鹏  
单位: 中国科学院昆明动物研究所  
电子邮件: kongqp@mail.kiz.ac.cn  
  
姓名: 祁学斌  
单位: 中国科学院昆明动物研究所  
电子邮件: qixuebin@mail.kiz.ac.cn