时空三极环境大数据平台

**主要家养动物基因组重测序数据（2021）**

英文标题：Genome re sequencing data of major domestic animals (2021)

1、摘要

为描述青藏高原及周边地区（泛第三极地区）主要驯化动物遗传多样性的分布格局，厘清其相关遗传背景。我们对采集自中国广东省、海南省、浙江省、湖南省、贵州省的50个番鸭血液提取总DNA，利用illumina 2000平台开展双端测序，获得50个番鸭基因组重测序数据，本数据集包含1个数据信息表（excel）和50个基因组原始数据（fastq）。数据信息表记录样本采集时间、采集地、测序时间等基本信息。为探索泛第三极地区番鸭驯化、迁徙、扩张等群体历史事件提供基础数据，为进一步探讨驯化动物环境适应机理提供资料。

2、关键词

主题关键词：其他数据  
学科关键词：其他  
地点关键词：泛第三极  
时间关键词：2021

3、数据细节

1.比例尺：None

2.投影：

3.文件大小：652000.0MB

4.数据格式：None

4、空间范围

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| - | 北：43.3 | - |
| 西：89.53 | - | 东：104.22 |
| - | 南：31.34 | - |

5、时间范围2020-12-31 16:00:00+00:00--2021-12-31 03:59:59+00:00

6、引用方式

数据的引用:

彭旻晟. 主要家养动物基因组重测序数据（2021）. 时空三极环境大数据平台, DOI:10.11888/Others.tpdc.271958, CSTR:18406.11.Others.tpdc.271958, 2021.[PENG Minsheng. Genome re sequencing data of major domestic animals (2021). A Big Earth Data Platform for Three Poles, DOI:10.11888/Others.tpdc.271958, CSTR:18406.11.Others.tpdc.271958, 2021]

文章的引用:

7、资助项目信息

泛第三极环境变化与绿色丝绸之路建设专项  
第二次青藏高原综合科学考察研究

8、数据资源提供者

姓名: 彭旻晟  
单位: 中国科学院昆明动物研究所  
电子邮件: pengminsheng@mail.kiz.ac.cn