时空三极环境大数据平台

**主要家养动物（家鸡）基因组重测序数据（2020-2022）**

英文标题：Genome re sequencing data of main domestic animals (chickens) (2020-2022)

1、摘要

为描述青藏高原及周边地区（泛第三极地区）主要驯化动物遗传多样性的分布格局，厘清其相关遗传背景。2020年我们对266个全球家鸡血液、组织等DNA组织样品提取总DNA后建库并做全基因组测序，同时下载已公布家鸡基因组数据一共863个家鸡基因组开展群体分析，为探索泛第三极地区家鸡驯化、迁徙、扩张等群体历史事件提供基础数据，并进一步探讨驯化动物对干燥等恶劣环境的适应机理提供资料。本数据集相关文章已发表，本数据集内所有数据提供fastq，bam，vcf，snp文件在线下载。

2、关键词

主题关键词：生物资源,家养动物,其他数据
学科关键词：其他,人地关系
地点关键词：泛第三极
时间关键词：2020-2022

3、数据细节

1.比例尺：None

2.投影：

3.文件大小：1400000.0MB

4.数据格式：None

4、空间范围

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| - | 北：43.3 | - |
| 西：89.53 | - | 东：104.22 |
| - | 南：31.34 | - |

5、时间范围2019-12-31 16:00:00+00:00--2022-02-27 16:00:00+00:00

6、引用方式

数据的引用:

彭旻晟. 主要家养动物（家鸡）基因组重测序数据（2020-2022）. 时空三极环境大数据平台, DOI:10.11888/HumanNat.tpdc.272316, CSTR:18406.11.HumanNat.tpdc.272316, 2022.[PENG Minsheng. Genome re sequencing data of main domestic animals (chickens) (2020-2022). A Big Earth Data Platform for Three Poles, DOI:10.11888/HumanNat.tpdc.272316, CSTR:18406.11.HumanNat.tpdc.272316, 2022]

文章的引用:

7、资助项目信息

泛第三极环境变化与绿色丝绸之路建设专项

8、数据资源提供者

姓名: 彭旻晟
单位: 中国科学院昆明动物研究所
电子邮件: pengminsheng@mail.kiz.ac.cn